# ***Projet - Informations générales***

|  |  |
| --- | --- |
| **Nom du Projet :** |       |
| **Acronyme Projet :** |       |
| **Équipe :** | Choisissez un élément. |
| **Porteur du projet (Nom / Prénom) :** |       |
| **Date du dépôt de la fiche projet :** |       |

# ***Projet - Description***

* Organisme : [ ]  Humain [ ]  Souris [ ]  Rat [ ]  Autre :
* Contexte et question scientifique :
* Plan Expérimental (partie NGS) :
* Attentes et Remarques :

# ***Librairies***

## [ ]  **RNA-Seq en bulk**

## **Nombre d’échantillons :**

* Extraction des ARN à réaliser par le plateau [ ]  Oui [ ]  Non
* Fabrication des librairies à réaliser par le plateau [ ]  Oui [ ]  Non
* Pool des librairies à réaliser par le plateau [ ]  Oui [ ]  Non

## [ ]  **ATAC-Seq**

## **Nombre d’échantillons :**

* Fabrication des librairies à réaliser par le plateau [ ]  Oui [ ]  Non
* Pool des librairies à réaliser par le plateau [ ]  Oui [ ]  Non

## [ ]  **scRNA-Seq**

## **Nombre d’échantillons :**

* Type de librairie  Choisissez un élément.
* Fabrication des librairies à réaliser par le plateau [ ]  Oui [ ]  Non
* Pool des librairies à réaliser par le plateau [ ]  Oui [ ]  Non

## [ ]  **ChIP-Seq**

## **Nombre d’échantillons :**

* Nature de l’échantillon  Choisissez un élément.

[ ]  Marque(s) chromatinienne(s) :

[ ]  Facteur(s) de transcription :

**Contrôle** [ ]  Input [ ]  IgG

* Fabrication des librairies à réaliser par le plateau [ ]  Oui [ ]  Non
* Pool des librairies à réaliser par le plateau [ ]  Oui [ ]  Non

# ***Bio-Informatique***

**Traitement des données :**

[ ]  RNAseq bulk [ ]  scRNAseq [ ]  ATACseq [ ]  ChIPSeq [ ]  Autre : Preciser

**Analyses à façon :**

[ ]  Analyses différentielles. Précisez les conditions à comparer : Preciser

[ ]  Biological Enrichment Analysis ([ ]  [Over Representation Analyses](http://yulab-smu.top/biomedical-knowledge-mining-book/enrichment-overview.html#ora-algorithm) [ ]  [Gene Set Enrichment Analysis](http://yulab-smu.top/biomedical-knowledge-mining-book/enrichment-overview.html#gsea-algorithm) [ ]  [Ingenuity Pathway Analysis](https://digitalinsights.qiagen.com/products-overview/discovery-insights-portfolio/analysis-and-visualization/qiagen-ipa/features/))

[ ]  Recherche de motifs [ ]  Autre : Preciser

**Mise en forme des données :**

[ ]  Dépôt sur [NCBI GEO](https://www.ncbi.nlm.nih.gov/geo/) [ ]  Autre : Preciser

# ***Engagements***

* **Le porteur de projet s’engage avant diffusion à communiquer aux personnels du plateau tout manuscrit / demande de brevet / demande de financement contenant des données générées / analysées par les personnels du plateau technique**.
* En cas de valorisation des résultats des analyses réalisées par la plateforme, par exemple sous forme de publication scientifique, le porteur de projet s’engage à faire apparaitre le plateau :

[ ]  dans la section remerciements [ ]  dans la liste des auteurs

# ***Signatures***

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Responsable du Projet |  | Responsable du plateau technique |
| Date et signature |  | Date et signature |